



I Jornadas Bienales de Proteómica para Jóvenes Investigadores

Sitges, 21-22 de Febrero de
2008



Agilent Technologies



NUCLIBER

Thermo
SCIENTIFIC

AS Applied
Biosystems

BIO-RAD

intavis AG
Bioanalytical Instruments



ProteoRed

SIGMA
LABORCHEMICALS

Waters
The Performance of Water is Possible

HORARIO

DIA 21		DIA 22	
10.30-10.45	Inaguración	8.45-10.15	Sesión 6
10.45-12.30	Sesión 1	10.15-12.00	Sesión 7
12.30-12.45	Descanso	12.00-12.30	Café / Póster
12.45-14.00	Sesión 3	12.30-13.45	Sesión 8
COMIDA		13.45	Clausura y entrega de premios
15.30-17.15	Sesión 2		
17.15-18.30	Sesión 4		
18.30-19.00	Café / Póster		
19.00-20.30	Sesión 5		
21.30 CENA			

COMITÉ ORGANIZADOR

Montserrat Carrascal (Laboratori de Proteòmica CSIC/UAB, IIBB-CSIC, Barcelona)

Marina Gay (Laboratori de Proteòmica CSIC/UAB, IIBB-CSIC, Barcelona)

Inma Jorge (Laboratorio de Proteómica y Química de Proteínas CBM. Madrid)

Ana M. Maldonado (Grupo de Proteómica Vegetal, Universidad de Córdoba)

SESIÓN 1: PROTEÓMICA CUANTITATIVA

Coordinador: Samuel Ogueta

A. COMUNICACIONES ORALES

PROTEÓMICA CUANTITATIVA		
FUNCTIONAL AND QUANTITATIVE PROTEOMICS USING SILAC IN CANCER RESEARCH	Jose Luis Luque-García	CNIO
APLICACIÓN DE ITRAQ PARA LA CARACTERIZACIÓN DEL PERFIL PROTEÓMICO EN LA PULPA DE LA BAYA DE UVA DE MESA (VITIS VINIFERA CV. MOSCATEL DE HAMBURGO)	M. Jose Martínez	Universidad de Alicante
ESTUDIO DE LOS CAMBIOS DE EXPRESIÓN EN EL PROTEOMA DE MEMBRANA MITOCONDRIAL DE CARDIOMIOCITOS DE RATA EN RESPUESTA A UN MODELO DE PRECONDICIONAMIENTO ISQUÉMICO	Horacio Serrano	CBMSO, CSIC-UAM
CLONTECH ANTIBODY MICROARRAY 500: A POWERFUL TOOL FOR HIGH-THROUGHPUT PROTEIN EXPRESSION ANALYSIS	Klaus Hentrich	Clontech, Nucliber
HPLC-CHIP/MS: UNA NUEVA HERRAMIENTA DE AGILENT TECHNOLOGIES PARA MEJORAR LA CUANTIFICACIÓN Y EXPRESIÓN DIFERENCIAL DE PÉPTIDOS Y PROTEÍNAS MEDIANTE NANO-LC/MS	Isidro Masana	Agilent Technologies

B. COMUNICACIONES EN FORMATO PÓSTER

PROTEÓMICA CUANTITATIVA			
1.1	QUANTIFICATION OF CERAMIDE MOLECULAR SPECIES IN TOTAL LIPID EXTRACTS OF WHITE ADIPOSE TISSUE BY SHOTGUN LIPIDOMICS	Elena Bonzón	CSIC-UAM
1.2	ANÁLISIS DIFERENCIAL DEL PROTEOMA DE DOS CEPAS DE ASPERGILLUS CARBONARIUS CON DIFERENTE NIVEL DE PRODUCCIÓN DE OCRATOXINA A MEDIANTE ELECTROFORESIS BIDIMENSIONAL	Ana Crespo	IATA-CSIC
1.3	IDENTIFICACIÓN DE CONEXINA 32 EN MEMBRANAS DE MITOCONDRIA DE HÍGADO Y DE CORAZÓN EN RATONES CX43KI32	Estefanía Nuñez	CBMSO CSIC-UAB
1.4	PERFIL DE EXPRESIÓN PROTEICA DIFERENCIAL DE LA INFECCIÓN PORCINA CON PCV2 POR SDS-PAGE, MARCAJE ENZIMÁTICO MEDIANTE ISÓTOPOS ESTABLES (16O/18O) Y TRAMPA IÓNICA	Maria Ramírez	Universidad de Córdoba
1.5	ANÁLISIS DE LAS PROTEINAS INTACTAS ERITROPOYETINA Y NESP MEDIANTE ELECTROFORESIS CAPILAR ACOPLADA A LA ESPECTROMETRIA DE MASAS CON ANALIZADOR DE TRAMPA IÓNICA.	Victoria Sanz	Universitat de Barcelona

SESIÓN 2: MODIFICACIONES POSTRADUCCIONALES

Coordinadores: Antonio Martínez (Estrés nitrosativo y oxidativo) y Enrique Santamaría (Fosforilación)

A. COMUNICACIONES ORALES

ESTRÉS NITROSATIVO Y OXIDATIVO		
MAJOR TARGETS OF IRON-INDUCED PROTEIN OXIDATIVE DAMAGE IN FRATAxin-DEFICIENT YEASTS ARE MAGNESIUM-BINDING PROTEINS	Jordi Tamarit	Universitat de Lleida
DETECTION OF REDOX MODIFIED PROTEINS BY GEL-FREE PROTEOMICS	Brian MacDonagh	Universidad de Cordoba
NEW INSIGHTS IN THE STUDY OF S-NITROSYLATION & S-NITRATION: STRATEGIES AND PROBLEMS.	Pablo Martínez-Acedo	CSIC-UAM
FOSFORILACIÓN		
FROM LIVER TISSUE TO PHOSPHORYLATION SITES	Eva María Rodriguez	CIC bioGUNE
ANALYSIS OF PHOSPHORYLATION OF THE NUCLEAR CHAPERONE NUCLEOPLASMIN	Miren Josu Omaetxebarria	EHU/UPV
FOSFOPROTEOMICA CUANTITATIVA EN CELULAS MADRE EMBRIONARIAS HUMANAS	Javier Muñoz	Utrecht University
HERRAMIENTAS DE CUANTIFICACIÓN EN FOSFOPROTEÓMICA: EL USO DE LA TECNOLOGÍA HÍBRIDA TRIPLE CUADRUPOLO-TRAMPA DE IONES 4000QTRAP	Antonio Serna	Applied Biosystems

B. COMUNICACIONES EN FORMATO PÓSTER

ESTRÉS NITROSATIVO Y OXIDATIVO			
2.1	DESARROLLO DE UNA METODOLOGÍA DE DETECCIÓN FLUORESCENTE PARA LA DETECCIÓN DEL S-NITROSOPROTEOMA Y APLICACIÓN A CÉLULAS ENDOTELIALES	Antonio Martínez	CNIC
2.2	METALOPROTEÓMICA DEL CISPLATINO	E. Moreno-Gordaliza	UCM, Madrid
FOSFORILACION			
2.3	MONOMERIC AND HETERODIMERIC DIFFERENTIAL PHOSPHORYLATION PATTERN IN THE CYCLIN-A2/CDK2 COMPLEX.	Juan Casado	CNIO
2.4	IDENTIFICACIÓN DE FOSFOPÉPTIDOS EN CÉLULAS T HUMANAS PRIMARIAS MEDIANTE IMAC Y TiO2 SECUENCIAL	Vanessa Casas	LP-CSIC/UAB IIBB-CSIC
2.5	PHOSFOPROTEOMICS: ANALYTICAL STRATEGIES AND COMPUTATIONAL DATA ANALYSIS	Elena López	Universidad de Odense
2.6	EXPRESIÓN DIFERENCIAL DE LAS CUATRO ISOFORMAS DE LA PROTEÍNA DE UNIÓN A CALCIO S100A9 (CALGRANULINA B) EN CÉLULAS MONONUCLEARES DE SANGRE PERIFÉRICA DE PACIENTES CON LUPUS ERITEMATOSO SISTÉMICO RESPECTO A CONTROLES SANOS	Esther José Pavón	Instituto de Parasitología y Biomedicina "López-Neyra", CSIC

SESIÓN 3: BIOINFORMÁTICA

Coordinador: Alberto Medina

A. COMUNICACIONES ORALES

BIOINFORMÁTICA		
LA BIOLOGÍA COMPUTACIONAL DE LA PROTEÓMICA POST-GENÓMICA	Victor Segura	CIMA
HERRAMIENTA ONLINE DE GENERACIÓN Y ALMACENAMIENTO DE DOCUMENTOS MIAPE	Salvador Martínez-Bartolomé	CNB-CSIC
DESARROLLO DE HERRAMIENTAS BIOINFORMÁTICAS APLICADAS A LA IDENTIFICACIÓN Y CUANTIFICACIÓN DE PÉPTIDOS EN EXPERIMENTOS A GRAN ESCALA	Pedro José Navarro	CBM CSIC-UAM
DESARROLLO DE UNA BASE DE DATOS DE PROTEÍNAS IDENTIFICADAS EN ESTUDIOS DE INTERACCIÓN PATÓGENO-HOSPEDADOR: PROTEOPATHOGEN	Vital Vialas	UCM-CNB

B. COMUNICACIONES EN FORMATO PÓSTER

BIOINFORMÁTICA			
3.1	NATIONAL INSTITUTE FOR PROTEOMICS, PROTEORED: AN UPDATE	Pedro Ramón Esudero	Proteored

SESIÓN 4: SECUENCIACIÓN DE NOVO

Coordinadoras: Mónica Carrera y Anabel Marina

A. COMUNICACIONES ORALES

SECUENCIACIÓN DE NOVO		
SECUENCIACIÓN DE NOVO DE PÉPTIDOS DIFERENCIADORES DEL DECÁPODO DE INTERÉS COMERCIAL PLEOTICUS MUELLERI	Ignacio Ortea	IIM-CSIC Vigo
DE NOVO SEQUENCING OF PROTEINS NOT REPRESENTED IN DATABASES USING LTQ-ORBITRAP: A CASE STUDY	Felix Elortza	CIC bioGUNE
INTEGRACIÓN DE LAS ESTRATEGIAS PROTEÓMICAS BOTTOM-UP Y TOP-DOWN PARA LA SECUENCIACIÓN DE NOVO DE ALERGENOS ALIMENTARIOS	Mónica Carrera	IIM-CSIC Vigo

B. COMUNICACIONES EN FORMATO PÓSTER

SECUENCIACIÓN DE NOVO			
4.1	PROTEÓMICA DE FAMILIAS MULTIGÉNICAS DE ESPECIES POCO REPRESENTADAS EN LAS BASES DE DATOS: POLIFENOL OXIDASAS DE NÍSPERO (ERIOBOTRYA JAPONICA)	Susana Sellés-Marchart	Universidad de Alicante

SESIÓN 5: PROTEÓMICA VEGETAL

Coordinadora: Sira Echevarría Zomeño

A. COMUNICACIONES ORALES

PROTEÓMICA VEGETAL		
SEÑALIZACIÓN MEDIADA POR LA PROTEÍNA ATCPK1 DE <i>ARABIDOPSIS THALIANA</i> EN LA RESPUESTA DE DEFENSA FRENTE A PATÓGENOS	Beatriz Orosa	Consorcio CSIC-IRTA
INTERACCIÓN DE LA TIORREDOXINA TRXA DE LA CIANOBACTERIA <i>SYNECHOCYSTIS</i> SP. PCC 6803 CON PROTEÍNAS DE MEMBRANA	Alejandro Mata-Cabana	CSIC-Universidad de Sevilla
MODIFICACIONES DEL PROTEOMA NUCLEAR DE <i>ARABIDOPSIS THALIANA</i> EN RESPUESTA A CAMBIOS EN EL MEDIO	Marina Ribeiro	CSIC-Universidad de Sevilla
CAMBIOS INDUCIDOS POR EL VIRUS DEL MOTEADO SUAVE DEL PIMIENTO (PMMOV) EN EL PROTEOMA CLOROPLÁSTICO DE <i>NICOTIANA BENTHAMIANA</i>	Mónica Pineda	Estación Experimental del Zaidín, Granada

B. COMUNICACIONES EN FORMATO PÓSTER

PROTEÓMICA VEGETAL			
5.1	ESTUDIO PROTEÓMICO COMPARATIVO DEL ESTROMA DE PLANTAS DE <i>ARABIDOPSIS</i> SILVESTRES Y DEFICIENTES EN NADPH TIORREDOXINA REDUCTASA CLOROPLÁSTICA (NTRC)	Maria Cruz González	Univ. Sevilla-CSIC
5.2	ANÁLISIS MEDIANTE ELECTROFORESIS BIDIMENSIONAL DE LAS DIFERENCIAS DE EXPRESIÓN PROTEICA PRODUCIDAS DURANTE LA MADURACIÓN DEL FRUTO Y ENTRE ESPECIES CULTIVADAS (<i>FRAGARIA X ANANASSA</i>) Y SILVESTRES (<i>FRAGARIA VESCA</i>) DE FRESA	Irene Aragüez-Rey	Universidad de Málaga
5.3	2DE vs CROMATOGRAFÍA LÍQUIDA ProteomeLab PF 2DE EN EMBRIÓN DE TRIGO	Sami Irar	CRAG
5.4	EFFECTS OF Cd IN THE ROOT PROTEOME OF TOMATO PLANTS	Jorge Rodríguez-Celma	Estación Experimental Aula Dei-CSIC
5.5	TOMATO CHROMOPLAST PROTEOME: CHALLENGES AND PERSPECTIVE	Rocco Petrizzo	Universidad de Barcelona
5.6	IDENTIFICACIÓN DE DIANAS DE S-NITROSILACIÓN DURANTE LA INTERACCIÓN PLANTA-PATÓGENO	Ana Maria Maldonado-Alconada	Universidad de Córdoba
5.7	ANALYSIS OF THYLAKOID MEMBRANE PROTEIN COMPLEXES FROM MAIZE BY BLUE-NATIVE GEL ELECTROPHORESIS AND TANDEM MASS SPECTROMETRY	Alexandre Campos	Consorci CSIC-IRTA
5.8	ALTERACIONES EN EL PROTEOMA DE ARROZ (<i>Oryza sativa</i>) EN SU INTERACCIÓN CON LA MICORRIZA ARBUSCULAR <i>Glomus intraradices</i> .	Lidia Campos-Soriano	CSIC-IRTA
5.9	PROTEÓMICA EN QUERCUS ILEX: APLICACIÓN AL ESTUDIO DE LA VARIABILIDAD POBLACIONAL Y LA RESPUESTA A ESTRÉS HÍDRICO	Sira Echevarría-Zomeño	Universidad de Córdoba

SESIÓN 6: MICROBIOLOGÍA Y PARASITOLOGÍA Y OTRAS PATOLOGÍAS

Coordinadores: Aída Pitarch (Microbiología y Parasitología), Cristina Ruiz y Jesús Mateos (Otras patologías)

A. COMUNICACIONES ORALES

MICROBIOLOGÍA Y PARASITOLOGÍA		
ESTUDIO DE LA INTERACCIÓN DE LAS PORINAS PorA Y PorB DE <i>Neisseria</i> POR INCORPORACIÓN EN LIPOSOMAS Y “BLUE NATIVE ELECTROPHORESIS”	Ana M ^a Abel Souto	Univ. Santiago de Compostela
ANÁLISIS PROTEÓMICO DE PROTEÍNAS DE MEMBRANA ANCLADAS A GLICOSILFOSFATIDILINOSITOL EN <i>Candida albicans</i>	M ^a Aranzazu Llama	Univ. Complutense de Madrid
EFECTO DEL TRATAMIENTO CON ALBENDAZOL EN LA RESPUESTA POR ANTICUERPOS EN HUMANOS FRENTE A LA TRIQUINELOSIS: UNA APROXIMACIÓN PROTEÓMICA	M ^a Auxiliadora Dea	Univ. Complutense de Madrid
OTRAS PATOLOGÍAS”		
MITOCHONDRIAL PROTEIN ALTERATIONS IN OSTEOARTHRITIC HUMAN ARTICULAR CHONDROCYTES REVEALED BY A PROTEOMIC APPROACH	Vanesa Carreira	C.H.U. Juan Canalejo
PEPTIDE APPROACH AS A CLINICAL AND DIAGNOSTIC TOOL IN PATIENTS WITH GLOMERULAR DISEASE	Antonio Núñez	Inst. Germans Trias i Pujol

B. COMUNICACIONES EN FORMATO PÓSTER

MICROBIOLOGÍA Y PARASITOLOGÍA			
6.1	ESTUDIO COMPARATIVO DE TÉCNICAS ELECTROFORÉTICAS NO DESNATURALIZANTES PARA EL ANÁLISIS DE COMPLEJOS PROTEICOS DE MEMBRANA EXTERNA DE <i>Neisseria meningitidis</i>	Juan Marzoa	Univ. Santiago de Compostela
6.2	ANÁLISIS PROTEÓMICO DE LA MATRIZ EXOCELULAR (ME) DE LAS BIOPELÍCULAS FORMADAS POR UNA CEPA SILVESTRE Y POR UNA MUTANTE DEL HONGO <i>Candida albicans</i> CON UNA INTERRUPCIÓN EN EL GEN PGA10 QUE CODIFICA PARA UNA PROTEÍNA QUE CONTIENE EL DOMINIO CFEM RICO EN CISTEÍNA.	M.Rosario Blanes	Univ. Valencia
6.3	METODO RÁPIDO DE IDENTIFICACIÓN DE PROTEÍNAS DE SUPERFICIE EN CÉLULA <i>IN VIVO</i>	Mª Luisa Hernáez	Parque Científico de Madrid
6.4	UNA ESTRATEGIA GENÉRICA PARA LA FASE DE DESARROLLO DE PROTOTIPOS DE BIOMARCADORES PROTEÓMICOS PARA EL DIAGNÓSTICO Y PRONÓSTICO DE LAS CANDIDIASIS INVASIVAS	Aida Pitarch	Univ. Complutense de Madrid
6.5	IDENTIFICACIÓN DE PACIENTES CON CANDIDIASIS SISTÉMICAS EN LA UNIDAD DE CUIDADOS INTENSIVOS MEDIANTE ANÁLISIS DEL PROTEOMA SEROLÓGICO: VALIDACIÓN DE LOS ANTICUERPOS ANTI-ENOLASA	Aida Pitarch	Univ. Complutense de Madrid
6.6	ESTUDIO DE LOS CAMBIOS EN EL PROTEOMA DE MACRÓFAGOS MURINOS AL INTERACCIONAR CON <i>Candida albicans</i>	José Antonio Reales	Univ. Complutense de Madrid
6.7	APLICACIÓN DEL iTRAQ PARA EL ANÁLISIS DE PROTEÍNAS DE MEMBRANA IMPLICADAS EN LA GLICOSILACIÓN EN LEVADURAS	Pilar Ximénez-Embún	Parque Científico de Madrid
6.8	EL GEN NcGRA7 CODIFICA EL ANTÍGENO INMUNODOMINANTE DE 17-KDa DE <i>Neospora caninum</i>	Gema Álvarez	Univ. Complutense de Madrid
6.9	CARACTERIZACIÓN IMMUNOPROTEÓMICA DE PREPARADOS ANTIGÉNICOS USADOS EN EL DIAGNÓSTICO DE DOS NEMATODOS PARÁSITOS: <i>Trichinella spiralis</i> Y <i>Anisakis simplex</i>	Mª Auxiliadora Dea	Univ. Complutense de Madrid
6.10	ANÁLISIS PROTEÓMICO EN PROTOZOOS FORMADORES DE QUISTES RELEVANTES EN SANIDAD ANIMAL	Virginia Marugán	Univ. Complutense de Madrid
OTRAS PATOLOGÍAS			
6.11	PROTEOMIC ANALYSIS OF HUMAN ARTICULAR CHONDROCYTES TREATED WITH GLUCOSAMINE SULPHATE	Valentina Calamia	C.H.U. Juan Canalejo
6.12	ANÁLISIS PROTEÓMICO BIDIMENSIONAL DEL CONDROCITO HUMANO NORMAL BAJO EL EFECTO DE IL-1 β Y TNF- α	Berta Cillero	C.H.U. Juan Canalejo
6.13	IDENTIFICACION DE PROTEINAS QUE INTERACCIONAN CON LA SUBUNIDAD CATALÍTICA DE LA FOSFATASA 2A EN CONDROCITOS ARTROSICOS Y NORMALES	Marcos Lires	C.H.U. Juan Canalejo
6.14	COMPARATIVE EVALUATION OF DIFFERENT SURFACES FOR PEPTIDOME EXTRACTION BY MAGNETIC BEAD SEPARATION AND MATRIX-ASSISTED LASER DESORPTION/IONIZATION TIME-OF-FLIGHT MASS SPECTROMETRY	Lourdes Fluvia	Inst. Germans Trias i Pujol

SESIÓN 7: BIOMARCADORES, PROTEÓMICA DEL SUERO Y CARDIOVASCULAR

Coordinadores: Joaquin Fernández (Biomarcadores y Proteómica del suero) y Ángel García (Proteómica Cardiovascular)

A. COMUNICACIONES ORALES

BIOMARCADORES, PROTEÓMICA DEL SUERO Y CARDIOVASCULAR		
IDENTIFICATION OF TRANSTHYRETIN AND ? 4-THYMOSIN AS POTENTIAL BIOMARKERS IN ACUTE CORONARY SYNDROME BY TWO INDEPENDENT METHODS, 2-DE/DIGE AND SELDI-TOF.	Sergio Ciordia	CNB-CSIC Madrid
ANÁLISIS DEL SECRETOMA DE ARTERIAS HUMANAS EN LA BÚSQUEDA DE BIOMARCADORES DE ATROFOTROMBOSIS.	Gloria Álvarez-Llamas	Fundación Jiménez Díaz, Madrid
CELL SIGNALING PROTEOMICS IN COLORECTAL CANCER	Juan Madoz	CIC Salamanca
APLICACIÓN DE LA PROTEÓMICA EN SUERO HUMANO PARA LA BÚSQUEDA DE MARCADORES TUMORALES PARA EL CÁNCER COLORRECTAL	Ana María Rodríguez	Univ. de Vigo
DETERMINACIÓN Y VALIDACIÓN DE DIANAS IMPLICADAS EN LA CARCINOGENÉISIS DEL OSTEOSARCOMA INFANTIL MEDIANTE PLATAFORMAS DE GENÓMICA Y PROTEÓMICA	Marta Zalacain	Univ. de Navarra
TARGETED PEPTIDE QUANTITATION IN COMPLEX MIXTURES USING HIGH RESOLUTION TRIPLE QUADRUPOLE MASS SPECTROMETER	Michaela Scigelova	ThermoFisher

B. COMUNICACIONES EN FORMATO PÓSTER

BIOMARCADORES, PROTEÓMICA DEL SUERO Y CARDIOVASCULAR			
7.1	SUBCELLULAR PROTEOMICS FRACTIONATION IN NEUTROPHILS – ENABLING SIGNALING TRANSDUCTION STUDIES	Alexandre Campos	Univ. de Barcelona
7.2	OBTENCIÓN DE MAPAS BIDIMENSIONALES DE CAPA ÍNTIMA DE ARTERIA CORONARIA HUMANA AISLADA POR MICRODISECCIÓN POR LÁSER.	Fernando De la Cuesta	Fundación Jiménez Díaz, Madrid
7.3	WEIGHT LOSS AND PROTEIN EXPRESSION PROFILES IN THE <i>GASTROCNEMIUS</i> MUSCLE OF TWO RABBIT BREEDS	André Martinho de Almeida	IICT Lisboa
7.4	MARCADORES PEPTÍDICOS PARA DETERMINAR EL ORIGEN ANIMAL EM PRODUCTOS CÁRNICOS PROCESADOS	M.Ángel Sentandreu	University of London

SESIÓN 8: MISCELÁNEA

Coordinadora: Montserrat Carrascal

A. COMUNICACIONES ORALES

MISCELÁNEA		
DETECCIÓN DE LA INESPECIFICIDAD DE UN ANTICUERPO POLICLONAL CONTRA LA LIPOPROTEÍNA LIPASA MEDIANTE HERRAMIENTAS PROTEÓMICAS	Albert Casanovas	Universitat de Barcelona
ANÁLISIS DEL REPERTORIO PEPTÍDICO ASOCIADO A HLA-DR10	Iñaki Alvarez	UAB
MULTIPLEX PROTEIN EXPRESSION PROFILING WITH PANORAMATM ANTIBODY ARRAYS	Eliezer Kopf	Sigma-Aldrich
IN SOLUTION SEPARATION OF MEMBRANE PROTEINS USING FREE FLOW ELECTROPHORESIS (FFE)	Krisitna Hartmann	BD

B. COMUNICACIONES EN FORMATO PÓSTER

MISCELÁNEA			
8.1	SNAKE VENOMICS OF BITIS SPECIES REVEALS LARGE INTRAGENUS VENOM TOXIN COMPOSITION VARIATION. APPLICATION TO TAXONOMY OF CONGENERIC TAXA	J.José Calvete	IBV-CSIC
8.2	SNAKE VENOMICS OF CENTRAL AMERICAN SPECIES FROM THE ATROPOIDES AND BOTHRIECHIS GENERA	J.José Calvete	IBV-CSIC
8.3	SNAKE VENOMICS OF THE SOUTH AND CENTRAL AMERICAN BUSHMASTERS. COMPARISON OF THE TOXIN COMPOSITION OF LACHESIS MUTA GATHERED FROM PROTEOMIC VERSUS TRANSCRIPTOMIC ANALYSIS	J.José Calvete	IBV-CSIC
8.4	FRAGMENTOS DE TITINA GENERADOS DURANTE EL PROCESO DE ELABORACIÓN DE JAMÓN CURADO	L. Mora	IATA-CSIC
8.5	SYSTEMATIC ANALYSIS OF PROTEIN INTERACTIONS WITH TETRASPANINS BY HIGH-THROUGHPUT, SECOND GENERATION PROTEOMICS TECHNIQS	Daniel Pérez-Hernández	CBMSO-UAM.